

Do Wszystkich Oferentów

Dotyczy: Konkursu Ofert nr 5/FDS/2020

- Zakres nr 1 – badania cytogenetyczne, cytogenetyczno-molekularne,
- Zakres nr 2 – badania genetyczne w kierunku wzmożonej podatności na nowotwory dziedziczne,
- Zakres nr 3 – badania genetyczne molekularne w hematologii,
- Zakres nr 4 – badania genetyczne molekularne,
- Zakres nr 5 – badania laboratoryjne,
- Zakres nr 6 – badania mikrobiologiczne,
- Zakres nr 7 - badania patomorfologiczne,
- Zakres nr 8 – konsultacje specjalistyczne

Pytanie nr 1:

Czy udzielający zamówienia dopuszcza możliwość złożenia oferty drogą elektroniczną, podpisaną kwalifikowanym podpisem elektronicznym. Prosimy wówczas o podanie wymogów technicznych do złożenia oferty w tej formie.

Odpowiedź: Udzielający zamówienia nie przewiduje możliwości składania ofert drogą elektroniczną. Oferty należy składać w wyznaczonym terminie, w kancelarii Szpitala przy ul. M. Skłodowskiej-Curie 9 osobiście lub za pośrednictwem poczty lub kuriera.

Pytania dotyczące Zakresu 4 pakiet 3:

Pytanie nr 2:

Badanie nr 55. Czy chodzi o badanie konkretnych mutacji w genie TIGR lub CYP1B1 czy o analizę całej sekwencji kodującej genów TIGR lub CYP1B1? Badanie znajduje się w pakiecie badań wykonywanych za pomocą sekwencjonowania następnej generacji, jednak geny są stosunkowo małe, w związku z czym ich badanie za pomocą techniki sekwencjonowania metodą Sangera, umożliwiłoby zredukowanie kosztów badania. Czy Zamawiający dopuszcza zmianę techniki do analizy ww. genów?

Odpowiedź: Udzielający zamówienia informuje, iż chodzi o analizę całej sekwencji genów TIGR lub CYP1B1. Udzielający zamówienia nie dopuszcza zmiany techniki do analizy ww. genów.

Pytanie nr 3:

Badanie 56. Proszę o doprecyzowanie sformułowania „wybrane regiony genu LTBP2”. Czy lekarz za każdym razem będzie określał, o które fragmenty genu mu chodzi i dla każdego pacjenta będą to inne regiony? Jeśli tak to prosimy o określenie maksymalnej liczby badanych regionów w pojedynczym badaniu? Jeśli za każdym razem będzie to ten sam region, prosimy o określenie numerów badanych eksonów genu LTBP2.

Odpowiedź: Udzielający zamówienia będzie preferować analizę jak największej liczby badanych regionów w pojedynczym badaniu.

Pytanie nr 4:

Badanie 57. Badanie znajduje się w pakiecie badań wykonywanych za pomocą sekwencjonowania następnej generacji, jednak pojedyncze mutacje można analizować również dobrze za pomocą techniki sekwencjonowania metodą Sangera, co umożliwi zredukowanie kosztów wykonania badania. Czy Zamawiający dopuszcza zmianę techniki do analizy ww. genów?

Odpowiedź: Udzielający zamówienia nie dopuszcza zmiany techniki do analizy ww. genów.

Pytanie nr 5:

Badanie 58. Badanie znajduje się w pakiecie badań wykonywanych za pomocą sekwencjonowania następnej generacji, jednak gen GJA1 jest stosunkowo mały, w związku z czym ich badanie za pomocą techniki sekwencjonowania metodą Sangera, umożliwiłoby zredukowanie kosztów badania. Czy Zamawiający dopuszcza zmianę techniki do analizy ww. genów?

Odpowiedź: Udzielający zamówienia nie dopuszcza zmiany techniki do analizy ww. genów.

Pytanie nr 6:

Badanie 59-61,64. Prosimy o doprecyzowanie sformułowania „wybrane eksony/fragmenty/regiony genu GPR143/TYR/OPA1/PAX6”. Czy lekarz za każdym razem będzie określał, o które fragmenty genu mu chodzi i dla każdego pacjenta będą to inne regiony? Jeśli tak to prosimy o określenie maksymalnej liczby badanych regionów w pojedynczym badaniu? Jeśli za każdym razem będzie to ten sam region, prosimy o określenie numerów badanych eksonów genu GPR143 TYR/OPA1/PAX6.

Odpowiedź: Udzielający zamówienia będzie preferować analizę jak największej liczby badanych regionów w pojedynczym badaniu.

Pytanie nr 7:

Badanie 62. Badanie znajduje się w pakiecie badań wykonywanych za pomocą sekwencjonowania następnej generacji, jednak pojedyncze mutacje można analizować równie dobrze za pomocą techniki sekwencjonowania metodą Sangera, co umożliwi zredukowanie kosztów wykonania badania. Czy Zamawiający dopuszcza zmianę techniki do analizy ww. genów?

Odpowiedź: Udzielający zamówienia nie dopuszcza zmiany techniki do analizy ww. genów.

Pytanie nr 8:

Badanie 63. Badanie znajduje się w pakiecie badań wykonywanych za pomocą sekwencjonowania następnej generacji, jednak gen FOXC1 jest stosunkowo mały, w związku z czym ich badanie za pomocą techniki sekwencjonowania metodą Sangera, umożliwiłoby zredukowanie kosztów badania. Czy Zamawiający dopuszcza zmianę techniki do analizy ww. genów?

Odpowiedź: Udzielający zamówienia nie dopuszcza zmiany techniki do analizy ww. genów.

DYREKTOR
Szpitala Uniwersyteckiego nr 1
im. dr. A. Jurasza w Bydgoszczy



dr n. o zdr. inż. Jacek Kryś